

<<分子营养学>>

图书基本信息

书名：<<分子营养学>>

13位ISBN编号：9787030173713

10位ISBN编号：7030173716

出版时间：2008-5

出版时间：科学出版社

作者：（美）J.曾普尔尼，（德）H.丹尼尔 编著，罗绪刚 等译

页数：414

字数：614000

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

## <<分子营养学>>

### 内容概要

分子营养学是营养学领域中发展最快的一门科学。

本书是目前国内已出版的唯一一本有关分子营养领域研究进展的中文译著。

书中对国际一流专家发表的有关分子营养方面的最新和最重要的研究成果进行了综述。

全书共分24章,详细叙述了分子营养学的研究方法、细胞内营养物质的动态平衡、细胞增殖和细胞凋亡、信号转导、基因表达和蛋白水解、核酸和分子水平事件的生理作用以及遗传修饰食物和食物过敏的分子机理等。

本书忠实原文,最大限度地反映了原书的风格与韵味。

可作为营养学、动物营养学、生物化学、分子生物学及医药学专业等的教学、科研人员及研究生的参考书。

## &lt;&lt;分子营养学&gt;&gt;

## 书籍目录

译者序前言第1部分 分子营养学研究的方法 1 基因组与后基因组 Ji Zhang 2 后基因组营养研究的前景 Hannelore Daniel第2部分 细胞营养稳衡、细胞增殖与凋亡 3 有机养分浆膜转运蛋白的分子生理学 Hannelore Daniel 4 维生素及其生理活性形式的细胞内运输和区室化 Donald B.McCormick 5 增殖细胞中的养分稳衡 Janos Zemleni 6 营养和细胞凋亡 John C.Mathers第3部分 营养物质在信号转导、基因表达和蛋白水解中的作用 7 哺乳动物中葡萄糖对基因表达的调节 Fabienne Foufelle和Pascal Ferre 8 NgL动物细胞中依赖氨基酸的转录调节 Michael S.Kilberg , Van Leung-Pineda和Chin Chen 9 脂肪酸与基因表达 Ulrike Beisiegel , Joerg Heeren和Frank Schnieders 10 视黄酸受体和视黄酸X受体在调节维生素A作用分子机制中的作用 Dianne R.Soprano和Kenneth J.Soprano 11 生物素、维生素B6和维生素C对基因表达的调节 Krishnamurti Dakshinamurti 12 硒与维生素E Alexandra Fischer , Josef Pallauf , Jonathan Maj ewicz , Anne Marie Minihane和Gerald Rimbach 13 鞘脂类：癌症治疗和预防的新战略 Eva M.Schmelz 14 食物中异黄酮的保健作用 Thomas M.Badger , Martin J.J.Ronis和Nianbai Fang 15 骨骼肌中遍在蛋白化和依赖于蛋白酶体的蛋白酶解机制 Didier AttaiX , Lydie Combarct , Anthony J.Kee和Daniel Taulandier第4部分 核酸与核酸结合化合物 16 膳食、DNA甲基化与癌症 Judith K.Christman 17 人类细胞中组蛋白的生物素化 Janos Zemleni 18 烟酸营养状态、多聚体(ADP-核糖)的代谢及基因组的不稳定性 Jennifer C.Spronck和James B.Kirkland第5部分 分子活动对生理的影响 19 转运甘油三酯的血浆脂蛋白的装配 Joan A.Higgins 20 细胞胆固醇的调节 Ji-Young Lee , Susan H.Mitmesser和Timothy P.Carr 21 2002年度：营养对白内障发生率影响的评估 Allen Tavlror和Mark Siegal 22 营养与免疫功能 Parveen Yaqoob和Philip C.Calder第6部分食物 23 食物过敏的分子机制 J.Steven Stanley和Gary A.Bannon 24 遗传修饰食物的安全性评价 Steve L.Taylor索引

## 章节摘录

1 基因组与后基因组 Ji Zhang (1 内布拉斯加大学医学中心病理与微生物系; 2 穆若一迈尔研究所人类分子遗传中心, 内布拉斯加大学医学中心, 奥马哈, 内布拉斯加, 美国) 引言 近年来, 基因组研究领域取得的巨大进展推动了人类健康与疾病的分子机制的精确测定, 为增进健康、降低发病率和死亡率及预防疾病提供了巨大潜力。

了解健康成年人对营养摄入的不同反应的分子机制将大大推动营养学的发展, 因此, 营养学家获取基因组研究的必要技术和资源的知识是相当重要的。

最初, 基因组学指的是对生物体基因组, 即一整套基因和染色体进行作图、测序和分析的科学规则。

目前, 基因组学的研究重点已由基因组的结构分析(结构基因组学)向基因组的功能分析(功能基因组学)转移。

结构基因组学的目的是构建生物体的高分辨遗传、物理和转录图谱, 并最终测定其全部DNA序列。

然而, 功能基因组学代表着基因组研究的新阶段, 是指在大量结构基因组学信息的基础上发展创新性技术。

本章的第一部分将着重介绍结构基因组学中所使用的工具和试剂; 第二部分将着重介绍DNA微阵列技术, 即当今的功能基因组学的代表。

结构基因组学 基因组、遗传绘图与物理绘图 人类基因组含有近30亿核苷酸碱基对, 携带着30000~100000个基因的遗传密码。

二倍体基因组DNA构成22对常染色体和两条性染色体。

每条染色体含有一条线性DNA分子, 该分子的特点是含有3个功能元件, 这些元件是细胞分裂时染色体成功复制所必需的: 自我复制序列; 着丝粒, 即有丝分裂或减数分裂时纺锤体的连接点; 端粒, 它能确保末端染色单体的完整复制。

基因组图谱的定义是DNA分子中不同基因座(基因、调节序列、多态性标记序列等)的相对位置。

有两种不同的绘制基因组基因座图谱的方法, 即遗传绘图法(genetic mapping)与物理绘图法(physical mapping)。

<<分子营养学>>

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>