第一图书网, tushu007.com

<<工业蛋白质组学>>

图书基本信息

书名：<<工业蛋白质组学>>

13位ISBN编号：9787030189523

10位ISBN编号：7030189523

出版时间：2007-6

出版时间：科学出版社

作者：(美)D. 菲格斯主

页数：236

字数：350000

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：http://www.tushu007.com

<<工业蛋白质组学>>

内容概要

本书是一部专注于蛋白质组学在工业中应用的专著。
全书共十一章，分别阐述了蛋白质组学在工业应用中的某一特定领域，其中包括以质谱技术为基础的蛋白质组学基本技术，功能蛋白质组，结构蛋白质组，蛋白质组学技术在蛋白质靶标确认方面的应用，蛋白质组学在发现疾病或药物相关生物标志物及血浆生物标志物中的应用，化学基因组学与化学蛋白质组学，蛋白质组生物信息学及蛋白质芯片等。
　本书内容丰富，信息全面，既可为工业蛋白质组研究领域的同仁提供参考，也可作为分子生物学、生物化学、细胞生物学、蛋白质组学以及医学、药学等领域的研究院所，高等院校的研究生及科研人员的参考用书。

<<工业蛋白质组学>>

书籍目录

译者的话序言本书主要参与者第一章 蛋白质组学的基本概念　前言　经典和功能蛋白质组学中的蛋白质组操作方法　蛋白质纯化　二维电泳的蛋白质分离　蛋白质加工　蛋白质鉴定　蛋白质组学当前面临的挑战　参考文献第二章 蛋白质-蛋白质相互作用绘图　前言　方法说明　实验设计　结论　参考文献第三章 蛋白质翻译后修饰：质谱分析磷酸化位点　前言　实验　结果　结论　致谢　参考文献第四章 高通量晶体学方法与计算机方法用于基于结构的药物设计.　引言　高通量构建体的选择、克隆和微量筛选　蛋白质表达　高通量机器人纳量体积的结晶和成像　高通量X射线数据收集　结构测定和优化　数据追踪　结构分析　对接　药物设计　结构预测　组织蛋白酶B(cathepsin B)抑制剂的设计　参考文献第五章 氢/氘交换质谱在高通量蛋白质结构分析中的应用　前言　蛋白质结构和动力学分析中的氢/氘交换理论　氢/氘交换技术综述　氢/氘交换结合裂解分析方法的应用　结论　参考文献第六章 蛋白质组学技术用于蛋白质药靶的识别与鉴定　引言　用于药靶发现的工具　验证　信息学　结论　参考文献第七章 应用蛋白质组学方法发掘生物标志物　前言　基于质谱的蛋白质组学方法　磷酸化蛋白质组分析　蛋白质复合体和信号通路　基于亲和标记的质谱方法　定量蛋白质组学　疾病机制与疾病诊断学　生物标志物在新药研发中的应用　总结　参考文献第八章 工业化规模人血浆的蛋白质组学分析　前言　工业化规模的定义　样本的选择、收集和随机混合　高丰度蛋白质的去除　低分子质量蛋白质和高分子质量蛋白质　基于凝胶的蛋白质分离　整体蛋白和肽段的分离　质谱　生物信息学　结论　致谢　参考文献第九章 化学基因组学：靶标展示　简介：化学遗传学和化学基因组学　化学基因组学技术　讨论和结论　参考文献第十章 蛋白质组生物信息学　引言　从基因组到蛋白质组——数据复杂性增加所引发的挑战　复杂混合物和质谱分析——数据　自动化和高通量　蛋白质序列数据库：全面陸和冗余性　减少样品和数据复杂性的策略　促进大规模功能蛋白质组学分析的数据仓库整合策略　架起实验结果和生物信息学之间的桥梁　蛋白质组学数据的交换　总结和展望　致谢　参考文献第十一章 蛋白质芯片　引言　芯片的配置　固相芯片与液相芯片　蛋白质固定表面的优化　点样技术　检测技术　内容物　表达谱　总结和展望　参考文献索引彩版

第一图书网, tushu007.com

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:http://www.tushu007.com