

<<SAS编程技术教程>>

图书基本信息

书名：<<SAS编程技术教程>>

13位ISBN编号：9787302159490

10位ISBN编号：7302159491

出版时间：2007-10

出版时间：清华大学

作者：朱世武

页数：530

字数：827000

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

<<SAS编程技术教程>>

内容概要

本书是作者多年来利用SAS软件进行教学与科研工作的结晶。

本书内容全面、系统性强、层次明确、语言简练，适合数学、统计学、经济和金融等专业的本科生、研究生作为高等学校相关专业的教材，同时也可供专业从业人员学习参考。

本书封面贴有清华大学出版社防伪标签，无标签者不得销售。

<<SAS编程技术教程>>

作者简介

朱世武

数量经济专业博士、金融工程专业博士后。

清华大学经济管理学院金融系副教授，金融量化分析与计算专业委员会副秘书长，中国金融学会金融工程专业委员会委员。

研究领域为固定收益、风险管理、金融计算与建模、金融数据库。

讲授过的课程有金融数据库、金融统计学、实证金融学、SAS编程技术，以及数据、模型与决策。

主持或参与16项科研项目。

在国内外学术期刊上发表论文40余篇。

著有《SAS编程技术教程》、《金融计算与建模》。

<<SAS编程技术教程>>

书籍目录

第1篇对定量结果进行差异性分析

第1章SAS软件与SAS用法简介

1.1SAS软件简介

1.2SAS用法简介

1.3本章小结

第2章单因素设计一元定量资料差异性分析

2.1单组设计一元定量资料t检验与符号秩和检验

2.2配对设计一元定量资料t检验与符号秩和检验

2.3成组设计一元定量资料t检验

2.4成组设计一元定量资料Wilcoxon秩和检验

2.5单因素 $k(k \geq 3)$ 水平设计定量资料一元方差分析2.6单因素 $k(k \geq 3)$ 水平设计定量资料一元协方差分析2.7单因素 $k(k \geq 3)$ 水平设计一元定量资料Kruskal-Wallis秩和检验

2.8本章小结

第3章单因素设计一元生存资料差异性分析

3.1单因素设计一元生存资料分析简介

3.2生存资料统计描述

3.3生存曲线比较

3.4本章小结

第4章多因素设计一元定量资料差异性分析

4.1随机区组设计一元定量资料方差分析与Friedman秩和检验

4.2双因素无重复实验设计一元定量资料方差分析

4.3平衡不完全随机区组设计一元定量资料方差分析

4.4拉丁方设计一元定量资料方差分析

4.5二阶段交叉设计一元定量资料方差分析

4.6析因设计一元定量资料方差分析

4.7含区组因素的析因设计一元定量资料方差分析

4.8嵌套设计一元定量资料方差分析

4.9裂区设计一元定量资料方差分析

4.9.1问题与数据

4.10正交设计一元定量资料方差分析

4.11重复测量设计一元定量资料方差分析

4.12常见多因素实验设计一元定量资料协方差分析

4.13多个单因素两水平设计定量资料Meta分析

4.14本章小结

第5章单因素设计多元定量资料差异性分析

5.1问题、数据及统计分析方法的选择

5.2单因素设计定量资料多元方差和协方差分析

5.3本章小结

第6章多因素设计多元定量资料差异性分析

6.1问题、数据及统计分析方法的选择

6.2多因素设计定量资料多元方差和协方差分析

6.3本章小结

第2篇对定性结果进行差异性分析

第7章单因素设计一元定性资料差异性分析

<<SAS编程技术教程>>

- 7.1单组设计一维表资料统计分析
- 7.2配对设计四格表资料统计分析
- 7.3配对设计扩大形式的方表资料统计分析
- 7.4成组设计横断面研究四格表资料统计分析
- 7.5成组设计队列研究四格表资料统计分析
- 7.6成组设计病例对照研究四格表资料统计分析
- 7.7成组设计结果变量为多值有序变量的 $2 \times C$ 表资料统计分析
- 7.8成组设计结果变量为多值名义变量的 $2 \times C$ 表资料统计分析
- 7.9单因素多水平设计无序原因变量 $R \times 2$ 表资料统计分析
- 7.10单因素多水平设计有序原因变量 $R \times 2$ 表资料统计分析
- 7.11单因素多水平设计双向无序 $R \times C$ 表资料统计分析
- 7.12单因素多水平设计有序结果变量 $R \times C$ 表资料统计分析
- 7.13单因素多水平设计双向有序 $R \times C$ 表资料统计分析
- 7.14数据库形式表达资料的统计分析
- 7.15本章小结
- 第8章多因素设计一元定性资料差异性分析
- 8.1用加权检验处理结果变量为二值变量的高维列联表资料
- 8.2用检验处理结果变量具有3种性质的高维列联表资料
- 8.3用Meta分析分别合并处理多个成组设计定性资料
- 8.4ROC方法分析诊断试验资料
- 8.5本章小结
- 第9章多因素设计一元定性资料对数线性模型分析
- 9.1问题、数据及统计分析方法的选择
- 9.2用对数线性模型分析列联表资料
- 9.3本章小结
- 第3篇对定量结果进行预测性分析
- 第10章两变量简单线性回归分析
- 10.1问题、数据及统计分析方法的选择
- 10.2Pearson线性相关分析
- 10.3Spearman秩相关分析
- 10.4简单线性回归分析
- 10.5加权线性回归分析
- 10.6本章小结
- 第11章两变量可直线化曲线回归分析
- 11.1问题、数据及统计分析方法的选择
- 11.2对数函数、幂函数和双曲函数曲线回归分析
- 11.3指数函数曲线回归分析
- 11.4Logistic函数曲线回归分析
- 11.5本章小结
- 第12章各种复杂曲线回归分析
- 12.1多项式曲线回归分析
- 12.2Logistic曲线回归分析
- 12.3Gompertz曲线回归分析
- 12.4二项型指数曲线回归分析
- 12.5三项型指数曲线回归分析
- 12.6本章小结
- 第13章多重线性回归分析

<<SAS编程技术教程>>

- 13.1问题、数据及统计分析方法的选择
- 13.2多重线性回归分析
- 13.3REG过程语法简介
- 13.4本章小结
- 第14章主成分回归分析
- 14.1问题、数据及统计分析方法的选择
- 14.2单组设计多元定量资料主成分回归分析
- 14.3本章小结
- 第15章岭回归分析
- 15.1问题、数据及统计分析方法的选择
- 15.2岭回归分析
- 15.3与岭回归分析有关的SAS语句说明
- 15.4本章小结
- 第16章Poisson回归分析
- 16.1问题、数据及统计分析方法的选择
- 16.2Poisson回归分析
- 16.3本章小结
- 第17章负二项回归与Probit回归分析
- 17.1问题、数据及统计分析方法的选择
- 17.2负二项回归分析
- 17.3对例17-2资料进行Probit回归分析
- 17.4对例17-3资料进行Probit回归分析
- 17.5相关的SAS过程语法简介
- 17.6本章小结
- 第18章生存资料COX模型回归分析
- 18.1实例
- 18.2生存资料COX模型回归分析简介
- 18.3生存资料COX模型回归分析
- 18.4本章小结
- 第19章生存资料参数模型回归分析
- 19.1实例
- 19.2生存资料参数模型回归分析简介
- 19.3生存资料参数模型回归分析
- 19.4LIFEREG过程简介
- 19.5本章小结
- 第20章时间序列分析
- 20.1时间序列分析简介
- 20.2指数平滑法
- 20.3ARIMA模型
- 20.4谱分析
- 20.5X²方法
- 20.6本章小结
- 第4篇对定性结果进行预测性分析
- 第21章非配对设计定性资料多重logistic回归分析
- 21.1问题、数据及统计分析方法的选择
- 21.2二值变量的多重logistic回归分析
- 21.3多值有序变量的多重logistic回归分析

<<SAS编程技术教程>>

- 21.4多值名义变量的多重logistic回归分析
- 21.5本章小结
- 第22章配对设计定性资料多重logistic回归分析
- 22.1问题、数据及统计分析方法的选择
- 22.4本章小结
- 第23章原因变量为定量变量的判别分析
- 23.1实例
- 23.2原因变量为定量变量的判别分析简介
- 23.3原因变量为定量变量的判别分析
- 23.4本章小结
- 第24章原因变量为定性变量的判别分析
- 24.1实例
- 24.2原因变量为定性变量的判别分析简介
- 24.3原因变量为定性变量的判别分析
- 24.4本章小结
- 第25章遗传资料统计分析的SAS实现
- 25.1SAS/Genetics简介
- 25.2ALLELE、HAPLOTYPE和HTSNP过程简介
- 25.3利用CASECONTROL和FAMILY过程进行关联分析
- 25.4亲缘系数和近交系数
- 25.5结果校正和图形输出
- 25.6本章小结
- 第26章用SAS/Genetics分析遗传流行病学资料
- 26.1基因、基因型频率测定与Hardy-Weinberg平衡定律的验证
- 26.2连锁不平衡与单体型分析
- 26.3多位点基因型与疾病关联分析
- 26.4标签SNP的确认与SAS程序
- 26.5一般人群病例对照遗传资料的关联分析
- 26.6家系数据的关联分析
- 26.7本章小结
- 第27章决策树分析
- 27.1决策树简介
- 27.2决策树的基本原理
- 27.3决策树种类及决策树构造思路
- 27.4递归分割的分裂准则
- 27.5变量重要性检测
- 27.6实际应用与结果解释
- 27.7用数据挖掘模块近似实现各种决策树算法
- 27.8本章小结
- 第28章神经网络分析
- 28.1前馈型神经网络简介
- 28.2多层感知器的学习
- 28.3模型过拟合
- 28.4模型复杂性的评价
- 28.5实际应用与结果解释
- 28.6本章小结
- 第5篇多变量间相互与依赖关系分析

<<SAS编程技术教程>>

第29章主成分分析

29.1实例

29.2主成分分析简介

29.3主成分分析

29.4PRINCOMP过程简介

29.5本章小结

第30章探索性因子分析

30.1实例

30.2因子分析简介

30.3探索性因子分析

30.4FACTOR过程简介

30.5本章小结

第31章路径分析

31.1问题与数据结构

31.2用REG过程实现路径分析

31.3用CALIS过程实现路径分析

31.4如何处理非同质资料的思考

31.5本章小结

第32章证实性因子分析

32.1实例

32.2证实性因子分析简介

32.3证实性因子分析

32.4CALIS过程简介

32.5本章小结

第33章结构方程模型分析

33.1实例

33.2结构方程模型简介

33.3结构方程模型分析

33.4本章小结

第34章典型相关分析

34.1实例

34.2典型相关分析概述

34.3典型相关分析

34.4CANCORR过程简介

34.5本章小结

第6篇变量或样品间亲疏关系或近似程度分析

第35章变量聚类分析

35.1实例

35.2变量聚类分析简介

35.3变量聚类分析

35.4VARCLUS过程简介

35.5本章小结

第36章无序样品聚类分析

36.1实例

36.2无序样品聚类分析简介

36.3无序样品聚类分析

36.4CLUSTER过程等简介

<<SAS编程技术教程>>

- 36.5本章小结
- 第37章有序样品聚类分析
 - 37.1实例
 - 37.2有序样品聚类分析概述
 - 37.3用编程法实现有序样品聚类分析
 - 37.4本章小结
- 第38章综合评价
 - 38.1问题、数据及统计分析方法的选择
 - 38.2用几种常用的综合评价方法解决实际问题
 - 38.3本章小结
- 第39章多维尺度分析
 - 39.1实例
 - 39.2多维尺度分析简介
 - 39.3多维尺度分析
 - 39.4MDS过程简介
 - 39.5本章小结
- 第40章定量资料对应分析
 - 40.1实例
 - 40.2对应分析简介
 - 40.3定量资料对应分析
 - 40.4数据结构及语句简介
 - 40.5本章小结
- 第41章定性资料对应分析
 - 41.1实例
 - 41.2定性资料对应分析
 - 41.3本章小结
- 第7篇数据挖掘技术与基因表达谱分析简析
- 第42章数据挖掘的概念及常用统计分析技术简介
 - 42.1数据挖掘的基本概念
 - 42.2SAS企业数据挖掘器介绍
 - 42.3关联规则与序列规则
 - 42.4分类预测
 - 42.5本章小结
- 第43章基因表达谱的概念与数据分析技术简介
 - 43.1基因表达谱的概念
 - 43.2基因表达谱的数据获取及标准化
 - 43.3基因表达数据分析技术
 - 43.4基因调控网络分析
 - 43.5本章小结
- 第44章生物信息学简介
 - 44.1生物信息学定义
 - 44.2统计学在生物信息学中的应用
 - 44.3本章小结
- 第8篇用编程法绘制统计图与实现实验设计
- 第45章绘制统计图
 - 45.1问题、数据及统计描述方法的选择
 - 45.2绘制单式条图

<<SAS编程技术教程>>

- 45.3绘制复式条图
- 45.4绘制百分条图
- 45.5绘制圆图
- 45.6绘制箱式图
- 45.7绘制直方图
- 45.8绘制散布图
- 45.9绘制普通线图
- 45.10绘制半对数线图
- 45.11绘制P-P图和Q-Q图
- 45.12本章小结
- 第46章实验设计方案的SAS实现
- 46.1成组设计方案的SAS实现
- 46.2单因素多水平设计方案的SAS实现
- 46.3随机区组设计方案的SAS实现
- 46.4拉丁方设计方案的SAS实现
- 46.52 × 2交叉设计方案的SAS实现
- 46.63 × 3交叉设计方案的SAS实现
- 46.7析因设计方案的SAS实现
- 46.8含区组因素的析因设计方案的SAS实现
- 46.9裂区设计方案的SAS实现
- 46.10平衡不完全区组设计方案的SAS实现
- 46.11本章小结
- 第47章样本含量估计和检验效能分析
- 47.1样本含量估计的意义
- 47.2确定样本含量时应具备的条件
- 47.3估计总体均值时样本含量的估计
- 47.4估计总体率时样本含量的估计
- 47.5单组设计均值与率的检验时样本含量的估计
- 47.6配对设计均值与率的检验时样本含量的估计
- 47.7成组设计均值与率的差异性检验时样本含量的估计
- 47.8成组设计均值与率的等效性检验时样本含量的估计
- 47.9成组设计均值与率的非劣效或优效性检验时样本含量的估计
- 47.10单因素多水平设计均值与率的检验时样本含量的估计
- 47.11检验效能分析的概述
- 47.12单组、配对或交叉设计定量资料假设检验时检验效能的计算
- 47.13成组设计均值与率的差异性检验时检验效能的计算
- 47.14成组设计均值与率的等效性检验时检验效能的计算
- 47.15成组设计均值与率的非劣效或优效性检验时检验效能的计算
- 47.16本章小结
- 放在与本书配套的光盘上的内容
- 附录A与SAS语言有关的内容简介(第48章~第55章)
- 附录B四个非编程模块简介(第56章~第59章)
- 附录C数据挖掘技术与基因表达谱分析(第60章~第62章)
- 附录D各章实例与数据
- 附录E直接调用的SAS引导程序—SASPAL
- 附录F各章SAS输出结果
- 附录G各章计算原理与计算公式

<<SAS编程技术教程>>

附录H各章参考文献

附录I胡良平专著及配套软件简介

<<SAS编程技术教程>>

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>