

图书基本信息

书名：<<基因组学.蛋白质组学与疫苗-国外优秀科技著作出版专项基金资助>>

13位ISBN编号：9787502584887

10位ISBN编号：7502584889

出版时间：2006-7

出版时间：化学工业出版社

作者：圭多·格兰迪

页数：236

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

内容概要

本书是一部介绍疫苗工程最新进展的专著，原著由35位专家共同撰写。

全书共13章，从疫苗产的历史、目前存在的问题，以及借几个应用“反向疫苗学”最近取得成功的例子来详细、系统地介绍了一种综合应用生物信息学、基因组学、蛋白质组学等相关技术研制疫苗的新的技术平台。

它可较现用传统方法以更快的速度和更大的成功概率研制新型疫苗。

涉及的技术包括：基因组测序和析、DNA微阵列、二维电泳和二维色谱、质谱分析、高通量蛋白质表达和纯化以及应用这些方法快速筛选候选疫苗的范例，并详细列出有关文献和网站地址等，以供读者进一步参考。

此外，在探讨应用基因技术开发新型疫苗的内容中，本书还对几种重要的临床病原微生物的生物学和致病机制进行了阐述。

本书内容新颖、丰富，实用性强，适合于药物开发和生物制品领域中从事疫苗研发的科技人员，以及科研院所、大专院校相关专业的师生参考阅读。

书籍目录

绪论篇 1 疫苗接种的今昔和未来 1.1 引言 1.2 疫苗接种的历史 1.3 疫苗接种的现状 1.4 疫苗接种的未来 1.5 结论：疫苗接种的无形价值 参考文献 2 生物信息学、DNA微阵列和蛋白质组学：寻找疫苗中的互补 2.1 引言 2.2 从基因组序列到发现疫苗 2.3 个案分析：抗B群脑膜炎球菌疫苗 2.4 三种方法的比较 2.5 结论：发现疫苗的一种新的技术平台 参考文献 技术篇 3 基因组测序和分析 3.1 引言 3.2 基因组测序 3.3 基因组分析 3.4 结论 参考文献 4 理解DNA微阵列：DNA微阵列数据集变异的来源和幅度 4.1 引言 4.2 DNA阵列格式 4.3 数据分析方法 4.4 DNA微阵列实验中噪声的来源和幅度 4.5 结论 致谢 参考文献 5 蛋白质组 5.1 引言 5.2 一些定义 5.3 现存的解决蛋白质组学复杂问题的方法 5.4 定量蛋白质组学 5.5 蛋白质组分析中的初步分离 5.6 多维色谱 5.7 蛋白质芯片阵列 5.8 质谱成像 致谢 参考文献 6 蛋白质组学中的质谱技术 6.1 引言 6.2 质谱技术 6.3 利用质谱数据鉴定蛋白质的原理 6.4 蛋白质组工作流程 参考文献 7 高通量克隆、表达和纯化技术 7.1 引言 7.2 基因克隆 7.3 表达蛋白 7.4 高通量蛋白纯化 7.5 表达纯化流程的确认和展望 7.6 结论 参考文献 应用篇 8 B群脑膜炎球菌：从基因组到疫苗 8.1 脑膜炎球菌——细菌性脑膜炎的主要病因 8.2 B群脑膜炎球菌疫苗——反向疫苗学实例 8.3 结论 参考文献 9 抗致病性链球菌的疫苗 9.1 引言 9.2 链球菌的比较基因组学 9.3 一种抗B群链球菌的疫苗 9.4 一种抗A群链球菌的疫苗 9.5 结论 参考文献 10 “抗原组”的鉴定——一种设计与发展抗致病菌亚单位疫苗的新工具 10.1 引言 10.2 小DNA插入文库——覆盖一种致病菌“抗原组”的工具 10.3 合适的展示平台 10.4 选择性人类血清——为遭遇致病菌提供印迹 10.5 同源抗体揭示致病菌的“抗原组” 10.6 从“抗原组”回收开发疫苗的候选抗原 10.7 总结与讨论 参考文献 11 从衣原体基因组寻找新的候选疫苗 11.1 衣原体疫苗的老问题和新前景 11.2 后基因组方法 11.3 基因组学筛选结果 11.4 综合意见 11.5 总结 参考文献 12 蛋白质组学和衣原体疫苗 12.1 引言 12.2 蛋白质组分析 12.3 蛋白质组学是对基因组学的一个补充 12.4 蛋白质组学有益于疫苗研发 参考文献 13 发现疫苗：铜绿假单胞菌的外膜蛋白和胞外蛋白的蛋白质组分析 13.1 引言 13.2 铜绿假单胞菌的膜蛋白 13.3 铜绿假单胞菌的胞外蛋白 13.4 免疫原性蛋白和发现疫苗 13.5 结论 参考文献 索引

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介, 请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>