

图书基本信息

书名：<<现代应用生物统计方法S-Plus的使用>>

13位ISBN编号：9787810719926

10位ISBN编号：7810719920

出版时间：2008-4

出版时间：北京大学医学出版社

作者：Steve Selvin

页数：413

字数：632000

译者：吕旌乔

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

内容概要

本书不同于常见的统计学书籍，并不偏重于阐述理论，也不单纯描述统计应用。而是将统计理论、统计应用和统计方法的实现这三个相互关联的方面整合成一体加以展现，通过统计型计算机语言S—Plus和数据实例相结合的方法，详细介绍一些中初级生物统计方法。书中的统计理论介绍已剔除了复杂的数学部分，各章节的主题围绕详尽的应用方法以及针对相应计算机/图形分析过程的细致描述展开，从而将理论、数据、实现过程、统计图形和结果解读结合在一起，展现了生物统计分析的完整过程。

作者简介

作者：(英国)Steve Selvin 译者：吕旌乔

书籍目录

1 S语言 起步 3种数据类型及一些输入规则 在S-Plus中读入数值 一些S工具——初级水平 S算术 更多S工具——中级水平 用于统计分析的S工具 S-Plus中的统计分布 数组和列表 矩阵代数工具 其他S工具 4个S程序范例 Data文件 附录：内置的编辑器 习题 2 数据描述技术 描述性统计量 基本统计指标 直方图平滑——密度估计 茎叶图 组间比较——t检验 组间比较——箱式图 数据分布和理论分布的对比——百分位数图 多组比较——QQ图 xy图 三维图形——透视图 三维图形——等高线图 三维图形——坐标轴旋转 数据平滑技术 空间数据的二维平滑 数据聚类描述 可加性——“清理”一个数组 范例——应用S函数进行地理计算 估计二维分布的中心点 附录：S几何 习题 3 模拟：随机数值 均匀随机数 一个范例 无放回抽样和有放回抽样 离散概率分布随机抽样——接受/拒绝抽样 离散概率分布随机抽样——反向转换法 二项概率分布 超几何概率分布 泊松概率分布 几何概率分布 连续分布的随机抽样 反向转换法 模拟来自正态分布的数值 其他四种统计分布 模拟最小值和最大值 BUTLER方法 复杂区域中的随机数值 多元正态变量 习题 4 广义线性模型 最简单的情况——单变量线性回归 多个变量的情形 多变量线性模型 对残差值的深入观察 预测——点值估计的可信区间 glm()中的关系表达式 多项式回归 判别分析 线性logistic模型 分类数据——双变量线性logistic模型 多变量数据——线性logistic模型 拟合优度5 统计估计6 表格数据分析7 方差分析和其他S函数8 率，寿命表及生存分析译者赘言

编辑推荐

《现代应用生物统计方法》适合于生物统计学和流行病学研究生，生物统计教学专业人员，医学院校师生等参考阅读。

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>